

Schrijf leesbaar en overzichtelijk. Beantwoord de vraag logisch en gestructureerd. De aangegeven plaats dient als een richtlijn voor de lengte van het antwoord.

- 1) Gegeven een hypothetische PAM1 matrix: a) leid hieruit af hoe je een PAM2 matrix bouwt en leg aan de hand van de afleiding uit wat de betekenis is van een PAM2 matrix. b) Leg in deze context ook de betekenis uit van een PAM250

	A	C	G	T
A	x_{11}	x_{12}	x_{13}	x_{14}
C	x_{21}	x_{22}	x_{23}	x_{24}
G	x_{31}	x_{32}	x_{33}	x_{34}
T	x_{41}	x_{42}	x_{43}	x_{44}

- a) definitie (1) wat is een PAM matrix
substitutie matrix gebruikt om afstanden
te scoren

- b) PAM 1 : 1% ~~nd~~ ~~met~~ NT gemuleerd
entrees bevatten kousen om kap subnt
te observeren

$$PAM2 = PAM1 \times PAM2$$

de matrix vermenig met λ krijgen 0,5
me wat nodig is uitlog v. transscriptie als
omdat er lang mutaties plaatsvinden
+ uitlog

- 9) PAK 250: (1)
 → ~~over~~^{om} ~~ver~~ ~~verwijder~~ ~~af~~ te scoren
 by align. Tolereert meer substitues 0,5
 → 250% gemuteerd 0,5
~~elke~~ multiple subst.

Naam:
Richting:

Evaluatie Bioinformatics Juni 2015

Schrijf duidelijk en overzichtelijk. Beantwoord de vraag bondig, maar logisch en gestructureerd. De aangegeven plaats dient als een richtlijn voor de lengte van het antwoord.

1) Juist of fout (motiveer jouw antwoord, ook als het antwoord juist is)

a) BLOSUM 60 wordt gebruikt om evolutionair relatief ver verwijderde sequenties te aligneren en BLOSUM 80 om relatief meer gerelateerde sequenties te aligneren.

1) wat is BLOSUM 4/1
Scorematrix voor align

2) hoe is gemaakt 1/1

3) effect op score align 12,5

4) juist / fout 10,5